



UNIVERSIDADE REGIONAL INTEGRADA DO ALTO URUGUAI
E DAS MISSÕES - CAMPUS DE ERECHIM
PROGRAMA DE PÓS-GRADUAÇÃO EM ECOLOGIA

ERECHIM
DIVERSIDADE GENÉTICA DE MAYTENUS ILICIFOLIA E FILOGENIA
MOLECULAR DE MAYTENUS MOLINA (CELASTRACEAE)

DISCENTE: CLÁUDIO VALÉRIO JÚNIOR

ORIENTADORES: ROGÉRIO LUIS CANSIAN; RODRIGO FORNEL

DATA DE DEFESA: 22/05/2015

Resumo: Atualmente, estudos em geral relacionados a espécies nativas de ordem primária, visando estratégias de conservação e uso sustentável das mesmas, são imprescindíveis. Dentre estas espécies de ordem primária, encontra-se as espécies do gênero *Maytenus*, em especial *Maytenus ilicifolia*, porém estudos tratando a diversidade genética e filogenia deste gênero e mesmo desta espécie em questão são raros. Desta forma o objetivo deste estudo foi analisar a diversidade genética e a filogenia molecular de alguns acessos de *Maytenus ilicifolia*, além de outras espécies da mesma família (Celastraceae), utilizando sequências de DNA cloroplástico, de amostras obtidas a campo e de sequências obtidas na base de dados do GenBank®. Foram realizadas coletas de exemplares de *Maytenus ilicifolia* em cidades da região Sul e Centro Oeste do Brasil, totalizando 30 amostras, sequenciadas utilizando o conjunto de primers trnL F - trnL R, além da utilização de 27 sequências de espécies da família Celastraceae, retiradas do GenBank®. As 30 amostras de *Maytenus ilicifolia*, resultaram em 22 haplótipos, com diversidade haplotípica (0,943), diversidade nucleotídica (0,051), distância genética de Nei (0,015 a 0,196) e índice de diversidade de Shannon (0,015 e 0,124). Já a filogenia formou 5 agrupamentos em *M. ilicifolia*. Os 27 fragmentos retirados do GenBank® e os 3 fragmentos sequenciados resultaram em 26 haplótipos, com diversidade haplotípica (0,989), diversidade nucleotídica (0,135). Já a filogenia agrupou as espécies por seu local de origem. Os valores de diversidade haplotípica e nucleotídica apontam para um rápido crescimento e pouco tempo de separação das populações e a filogenia intraespecífica mostrou que apesar de algumas das populações estudadas formarem agrupamentos, isso não aponta para um possível processo de especiação. A análise filogenética dentro da família Celastraceae mostrou que as espécies do gênero *Maytenus* possuem maior afinidade com relação ao seu local de origem, dividindo o gênero de maneira bastante clara.



UNIVERSIDADE REGIONAL INTEGRADA DO ALTO URUGUAI
E DAS MISSÕES - CAMPUS DE ERECHIM
PROGRAMA DE PÓS-GRADUAÇÃO EM ECOLOGIA

ERECHIM
Palavras-chave: Maytenus, trnL F - trnL R, Filogenia, Celastraceae.